

CoopBioPlat

Biodiversity platform of GBIF Spain
based on ALA

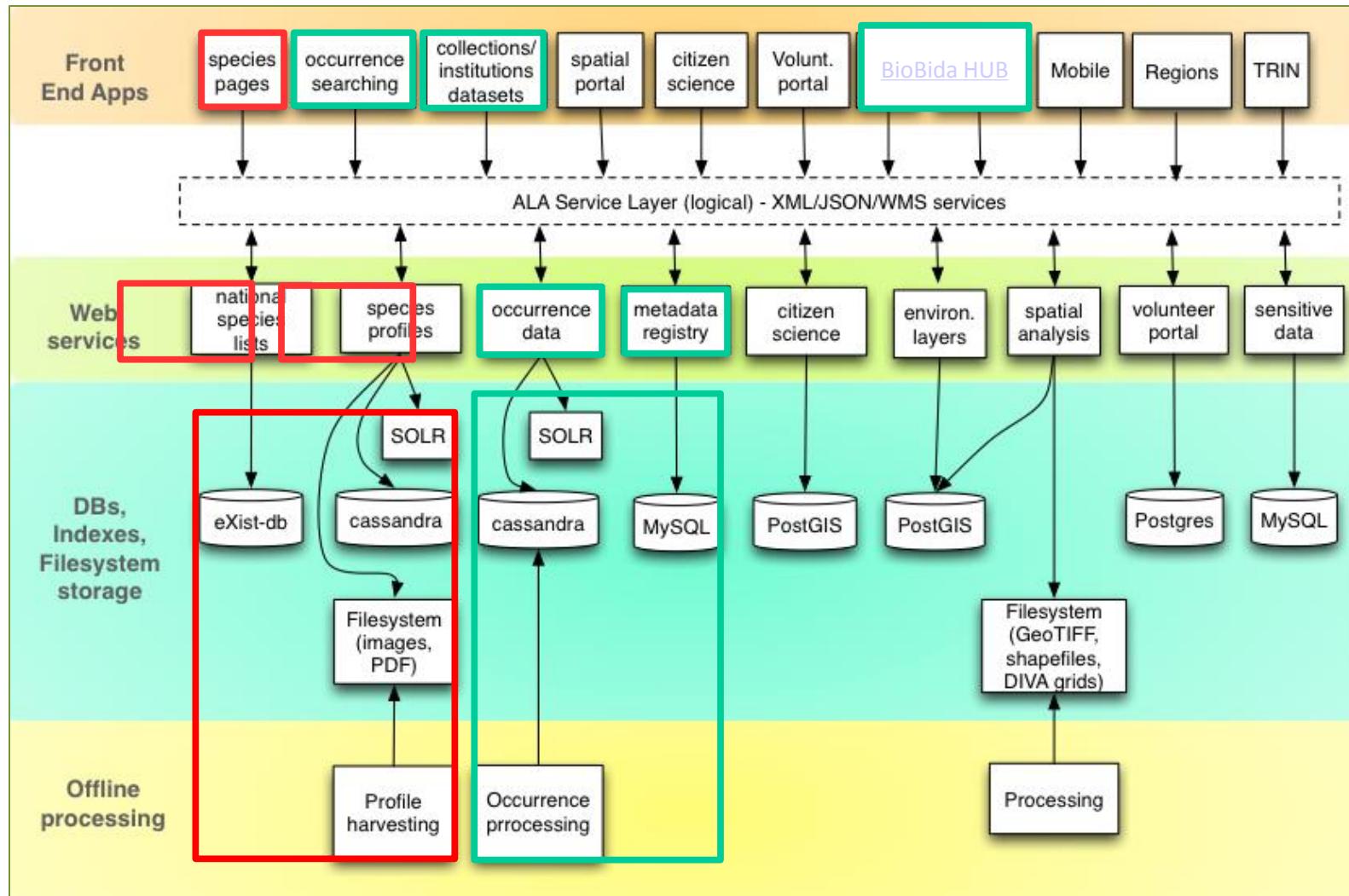


- CURRENT STATE -



Santiago Martínez de la Riva Vivanco
Unidad de Coordinación GBIF España
sama@gbif.es
www.gbif.es
Real Jardín Botánico 20/10/15

Environment



Current working environment

Test environment: http://ala-demo.org/generic-hub/search#tab_simpleSearch

Production environmet: http://datos.gbif.es/generic-hub/search#tab_simpleSearch

Repositories on GitHub:

generic-hub-es

forked from [AtlasOfLivingAustralia/generic-hub](#)

Generic hub template grails app

biocache-hubs-es

forked from [AtlasOfLivingAustralia/biocache-hubs](#)

Biocache Hub UI grails plugin

generic-collectory

forked from [AtlasOfLivingAustralia/generic-collectory](#)

An empty collectory application based on collectory plugin

collectory-plugin

forked from [AtlasOfLivingAustralia/collectory-plugin](#)

A plugin for collectory functionality

generic-bie

forked from [AtlasOfLivingAustralia/generic-bie](#)

Generic version of the BIE app for forking and use by other projects

es-bie

forked from [AtlasOfLivingAustralia/ala-bie](#)

The ALA's version of the BIE

bie-index-es

forked from [AtlasOfLivingAustralia/bie-index](#)

Taxonomic search services

specieslist-webapp-es

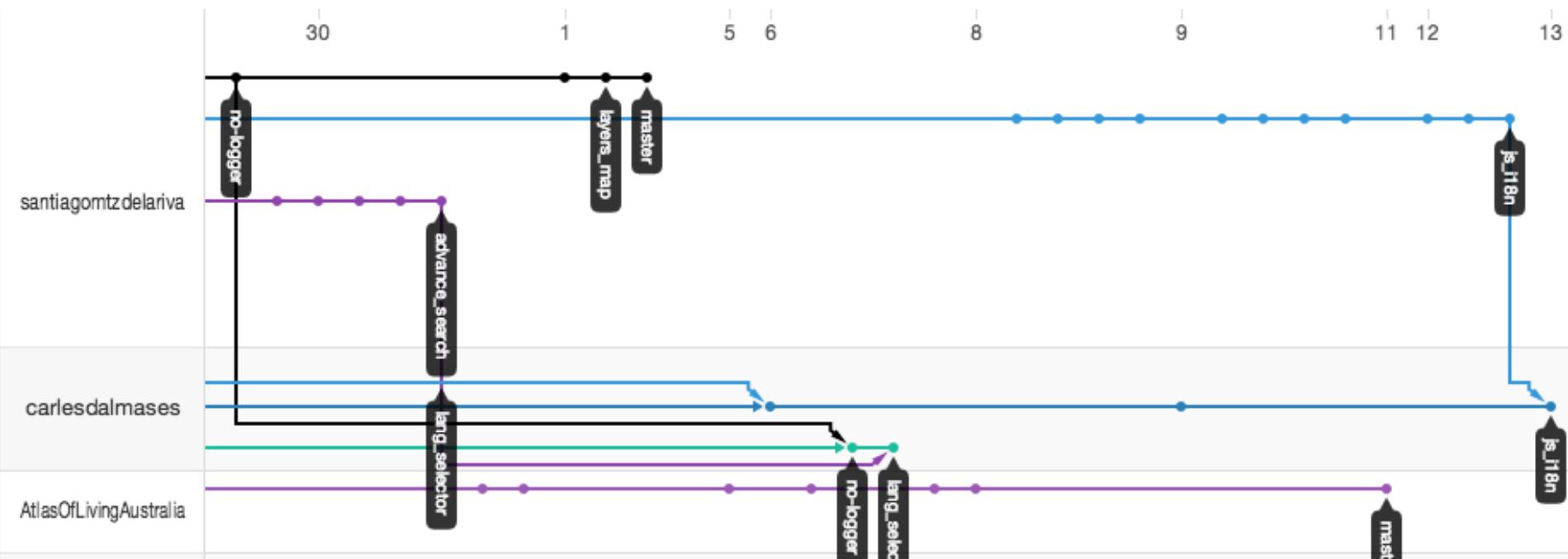
forked from [AtlasOfLivingAustralia/specieslist-webapp](#)

Species lists tool

Diving up the work on GITHUB

<https://github.com/santiagomtzdelariva/>

<https://github.com/GBIFes/>



Current status of Generic-hub

Branches: Master/lang-selector

Repository: <https://github.com/santiagomtzdelariva/generic-hub-es/network>

Web: http://datos.gbif.es/generic-hub/search#tab_simpleSearch

Customizations:

* *New fixed Menu*

A screenshot of a web page's header. It features a horizontal navigation bar with several items: "Portal de Datos" (highlighted in blue), "Inicio" (highlighted in grey), "Instituciones, colecciones y proyectos", "Juegos de datos", "Datos georeferenciados", "Buscar", "www.gbif.es", "Idioma" (with a dropdown arrow), and "Ayuda".

* *Lang-selector feature*

A screenshot of a search interface. At the top, there is a navigation bar identical to the one above. Below it, the word "Registros" is displayed in a large, bold, dark blue font. To its right is a search bar with a placeholder "Búsqueda avanzada" and a "Búsqueda rápida" button. Further right is a "Idioma" dropdown menu with three options: "Català", "English", and "Español".

* *New Footer*

* *i18n: Additional properties*

Current status of Biocache-hub

Branches: master/advance_search/no-logger/layers_map/js_18n

Repository: <https://github.com/santiagomtzdelariva/biocache-hubs-es/network>

Web: http://datos.gbif.es/generic-hub/search#tab_simpleSearch (search /occurrence_list / occurrences_core)

Customizations:

* [Advance-search branch](#):

- Included the list of provinces of Spain and Portugal.
- Deleted IBRA and IMCRA filters in advance search tab.
- Deleted Batch Taxon search and Catalogue number search. Bug ([Reported](#))
- Commented section: “Find records for ANY of the following taxa”
- Added section feedback.  [Avisar de un error](#)
(email > feedback@gbif.es)

Current status of Biocache-hub

Customizations:

* Advance-search branch:

- Deleted the facets that are not needed: IMCRA, IBRA,...
- New format for in dates and numbers (thounsand separator): Fecha: 30-sep-2015
- New view of occurrence list and Added more fields (Latitude, Longitude,...). (OccurrenceTagLib)



Rosa

Colector: Ryu Callaway

Fecha: 30-sep-2015

Recurso de datos: Canberra Nature Map

Tipo de registro: HumanObservation

Número de catálogo: 1946845

Provincia: Australian Capital Territory

Localidad: Unincorporated ACT

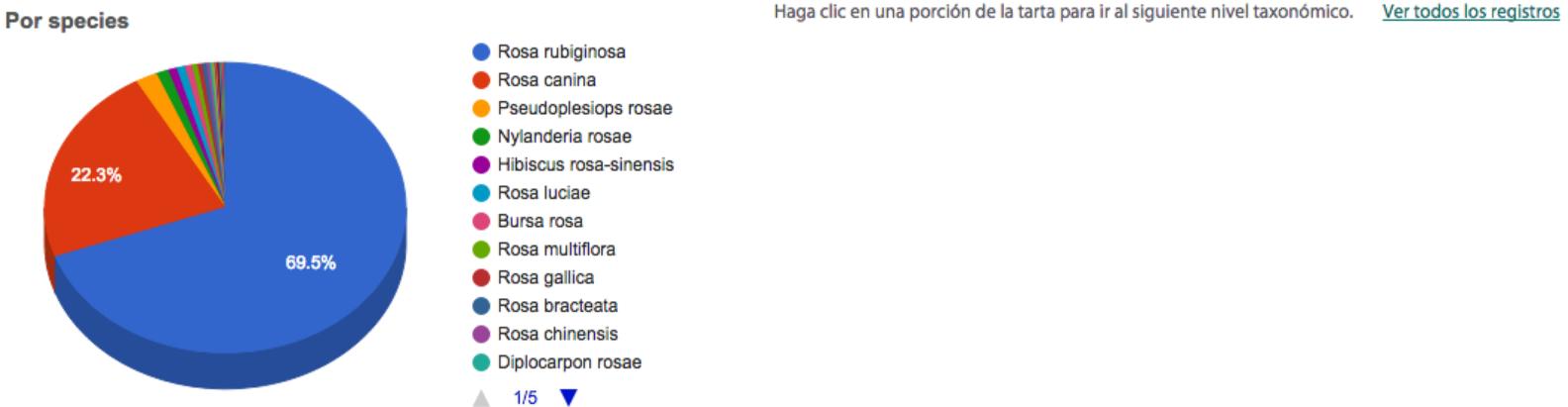
[Ver registro](#)

Current status of Biocache-hub

Customizations:

- Advance-search branch:

- Showing the navigation section of the chart by taxon rank



Current status of Biocache-hub

Customizations:

- Advance-search branch:

- New way to view the information of the occurrence core:

Conjunto de datos	Información adicional de las fronteras políticas	Muestreo ambiental para esta ubicación	Pruebas de calidad de datos
Proveedor de datos	Canberra Nature Map		
Número de catálogo	1946845		
Tipo de registro	Human observation		
Observador	Callaway, R. Ryu <i>Provisto como "Ryu Callaway"</i>		
Fecha de registro	2015-09-30 <i>Fecha provista "2015-09-30T16:01:32"</i>		
Número de individuos	1 - 3		
Associated references	http://canberranaturemap.org/Community/Sighting/1946845		
Occurrence status	present		
Verbatim event date	2015-09-30T16:01:32		

Current status of Biocache-hub

Customizations:

* [no-logger branch](#): Why? – When ALA Down then ALS Down, but not now.

- Commented logger.baseUrl var, getLoggerReasons, getLoggerSources and getSourceID() functions.
- Replaced getSourceID() by “0” and getLoggerReason() by list of own reasons.

Correo electrónico

Nombre de archivo

Razón para la descarga *

Tipo de descarga
conservation management/planning
biosecurity management, planning
environmental impact, site assessment
education
scientific research
collection management
other
ecological research
systematic research
other scientific research
testing

Nota: La guía de campo puede tar

Current status of Biocache-hub

Customizations:

* [*layers-map branch*](#): (WMS services- [*Capabilities*](#))

- Modified the space reference: EPGS:900913 > EPGS:4326.

- Included new overlay vars in the *Config.groovy* (generic-hub) file: *map.overlay.url*, *map.overlay.name* and *map.overlay.layer*.

- Added WMS layer in the *_map.gsp* file:

> *layers*, *format*, *transparent*, *version*, *attribution*...

Current status of Biocache-hub

Customizations:

* i18n branch:

- GSP files:

> New properties for global controlled vocabularies such as: species_group, basis of record and type_status. Used in advance_search, map legend,...

✓ -- Seleccione un grupo de especies --

- Algas
- Anfibios
- Angiospermas
- Animales
- Artrópodos
- Bacterias
- Pájaros
- Briófitas
- Cromistas
- Crustáceos
- Dicotiledóneas
- Helechos y plantas afines
- Peces
- Hongos
- Gimnospermas
- Insectos
- Mamíferos
- Moluscos
- Monocotiledóneas
- Plantas
- Protozoos
- Reptiles

✓ -- Seleccione un tipo de nomenclatural --

- alolectotipo
- alotipo
- alotipo|lectotipo**
- alotipo|paratipo
- cotipo
- cotipo|lectotipo
- cotipo|paralectotipo
- cotipo|paratipo
- cotipo|tipo
- epitipo
- hapantotipo
- holotipo
- holotipo|alotipo
- holotipo|isotipo
- holotipo|lectotipo
- holotipo|neotipo
- holotipo|paratipo
- holotipo|sintipo
- holotipo|sintipo|lectotipo
- holotipo|sintipo|paralectotipo
- holotipo|sintipo|tipo
- holotipo|tipo
- isolectotipo

Why these types of types status?
What is the meaning?

Compare with [bor vocab of GBIF.org](#)

✓ -- Seleccione una base del registro --

- Especimen fosilizado
- ADN genómico
- Observación humana
- Imagen
- Citas
- Especimen vivo
- Observación de máquina
- Lista de comprobación nomenclatural
- Especimen preservado
- Sonido



Current status of Biocache-hub

Customizations:

* i18n branch: - GSP files:

> Facets:

Taxon	Identificación
<input checked="" type="checkbox"/> Nombre científico	<input checked="" type="checkbox"/> Identificado por
<input type="checkbox"/> Nombre científico (no procesado)	<input checked="" type="checkbox"/> raw_identification_qualifier
<input checked="" type="checkbox"/> Especie	<input checked="" type="checkbox"/> Incidencias taxonómicas
<input type="checkbox"/> Género	<input checked="" type="checkbox"/> Tipo de especímen
<input checked="" type="checkbox"/> Familia	<input checked="" type="checkbox"/> Uso original del nombre
<input type="checkbox"/> Orden	
<input type="checkbox"/> Clase	
<input type="checkbox"/> División	
<input type="checkbox"/> Reino	
<input type="checkbox"/> Identificado para rango	
<input checked="" type="checkbox"/> Nombre que coincide con la métrica	
<input checked="" type="checkbox"/> Forma de vida	
<input checked="" type="checkbox"/> Nombre común (procesado)	
<input type="checkbox"/> Interacción de la especie	

Taxon	Identificación
<input checked="" type="checkbox"/> Nombre científico	<input checked="" type="checkbox"/> Identificado por
<input type="checkbox"/> Nombre científico (no procesado)	<input checked="" type="checkbox"/> raw_identification_qualifier
<input checked="" type="checkbox"/> Especie	<input checked="" type="checkbox"/> Incidencias taxonómicas
<input type="checkbox"/> Género	<input checked="" type="checkbox"/> Tipo de especímen
<input checked="" type="checkbox"/> Familia	<input checked="" type="checkbox"/> Uso original del nombre
<input type="checkbox"/> Orden	
<input type="checkbox"/> Clase	
<input type="checkbox"/> División	
<input type="checkbox"/> Reino	
<input type="checkbox"/> Identificado para rango	
<input checked="" type="checkbox"/> Nombre que coincide con la métrica	
<input checked="" type="checkbox"/> Forma de vida	
<input checked="" type="checkbox"/> Nombre común (procesado)	
<input type="checkbox"/> Interacción de la especie	

Taxon	Localización
	<input checked="" type="checkbox"/> País
	<input checked="" type="checkbox"/> Provincia
	<input checked="" type="checkbox"/> Elevación
	<input checked="" type="checkbox"/> Mínima elevación (en metros)
	<input checked="" type="checkbox"/> Región
	<input checked="" type="checkbox"/> Meso-Escala
	<input type="checkbox"/> Región biogeográfica
	<input checked="" type="checkbox"/> Cobertura dinámica del suelo
	<input checked="" type="checkbox"/> Tipo de vegetación - nativa
	<input checked="" type="checkbox"/> Tipo de vegetación - actual
	<input checked="" type="checkbox"/> Hábitats de la especie
	<input checked="" type="checkbox"/> Incertidumbre de coordenada (en metros)
	<input checked="" type="checkbox"/> Validez espacial
	<input checked="" type="checkbox"/> ID de la localización

Taxon	Localización
	<input checked="" type="checkbox"/> País
	<input checked="" type="checkbox"/> Provincia
	<input checked="" type="checkbox"/> Elevación
	<input checked="" type="checkbox"/> Mínima elevación (en metros)
	<input checked="" type="checkbox"/> Región
	<input checked="" type="checkbox"/> Meso-Escala
	<input type="checkbox"/> Región biogeográfica
	<input checked="" type="checkbox"/> Cobertura dinámica del suelo
	<input checked="" type="checkbox"/> Tipo de vegetación - nativa
	<input checked="" type="checkbox"/> Tipo de vegetación - actual
	<input checked="" type="checkbox"/> Hábitats de la especie
	<input checked="" type="checkbox"/> Incertidumbre de coordenada (en metros)
	<input checked="" type="checkbox"/> Validez espacial
	<input checked="" type="checkbox"/> ID de la localización

Observaciones	Registro
<input checked="" type="checkbox"/> Colector	<input checked="" type="checkbox"/> Tipo de registro
<input checked="" type="checkbox"/> Sexo	<input checked="" type="checkbox"/> Multimedia
<input checked="" type="checkbox"/> Estadio de desarrollo	<input checked="" type="checkbox"/> Presencia/Ausencia
<input checked="" type="checkbox"/> Estado del cultivo	
<input checked="" type="checkbox"/> Mes	
<input checked="" type="checkbox"/> Década	
<input checked="" type="checkbox"/> Estado de conservación	
<input type="checkbox"/> Estado de conservación (no procesado)	
<input checked="" type="checkbox"/> ID del evento/fecha	

Observaciones	Registro
<input checked="" type="checkbox"/> Colector	<input checked="" type="checkbox"/> Tipo de registro
<input checked="" type="checkbox"/> Sexo	<input checked="" type="checkbox"/> Multimedia
<input checked="" type="checkbox"/> Estadio de desarrollo	<input checked="" type="checkbox"/> Presencia/Ausencia
<input checked="" type="checkbox"/> Estado del cultivo	
<input checked="" type="checkbox"/> Mes	
<input checked="" type="checkbox"/> Década	
<input checked="" type="checkbox"/> Estado de conservación	
<input type="checkbox"/> Estado de conservación (no procesado)	
<input checked="" type="checkbox"/> ID del evento/fecha	

Observaciones	Incidencias
	<input checked="" type="checkbox"/> Sensible
	<input checked="" type="checkbox"/> Alertas
	<input checked="" type="checkbox"/> Valores atípicos en la capa
	<input checked="" type="checkbox"/> Recuento de valores atípicos
	<input checked="" type="checkbox"/> Con alertas
	<input checked="" type="checkbox"/> Alertas de usuario
	<input checked="" type="checkbox"/> Registros asociados
	<input checked="" type="checkbox"/> Información duplicada por

Observaciones	Incidencias
	<input checked="" type="checkbox"/> Sensible
	<input checked="" type="checkbox"/> Alertas
	<input checked="" type="checkbox"/> Valores atípicos en la capa
	<input checked="" type="checkbox"/> Recuento de valores atípicos
	<input checked="" type="checkbox"/> Con alertas
	<input checked="" type="checkbox"/> Alertas de usuario
	<input checked="" type="checkbox"/> Registros asociados
	<input checked="" type="checkbox"/> Información duplicada por

> Fields of the list of occurrences (OccurrenceTagLib)

Rosa

Colector: Ryu Callaway

Fecha: 30-sep-2015

Recurso de datos: Canberra Nature Map

Tipo de registro: HumanObservation

Número de catálogo: 1946845

[Ver registro](#)

> Button and hyperlink: labels title and tooltips.

↓ Descargar mapa

↓ Descargar archivo de imagen (modo monocolor)

Personalizar filtros ▾

Filtrar registros por:

- Antennularia /11
↳ elegir más...
- Especie Ver más opciones o refinar con múltiples valores
- Acacia mearnsii (1)

↓ Descargar

Rosa Descargar los 16.217 registros O la lista de especies

Restablecer los valores predeterminados

Restablecer opciones por defecto

Nombre científico

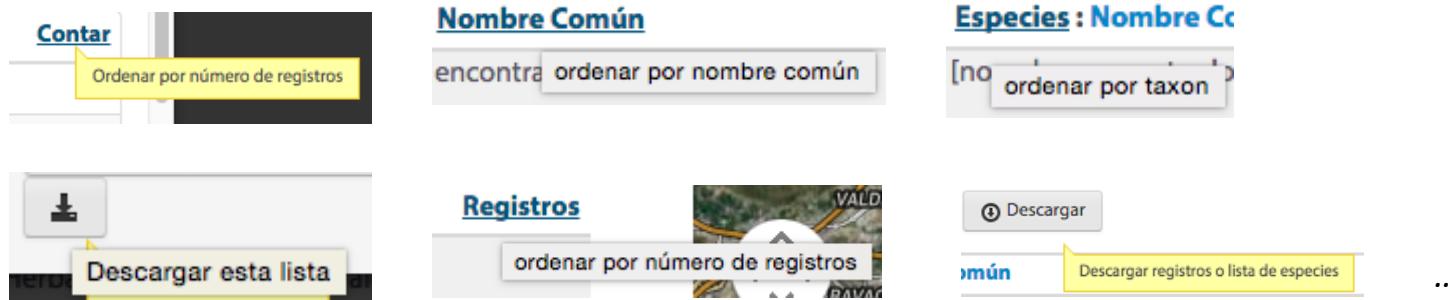
ATELEOP Ordenar por Nombre científico

Current status of Biocache-hub

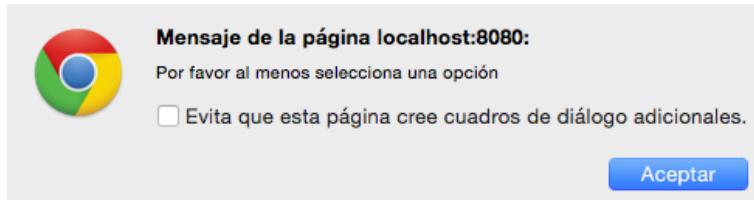
Customizations:

* i18n branch: - GSP files:

> More Buttons and hyperlinks: labels title and tooltips and more and more...



> Error Messages:



Current status of Biocache-hub

Customizations:

* i18n branch: - GSP files:

> List of fields in the occurrence view and new title tabs.

Conjunto de datos	Información adicional de las fronteras políticas	Muestreo ambiental para esta ubicación	Pruebas de calidad de datos
<p>Proveedor de datos</p> <p>Número de catálogo</p> <p>Tipo de registro</p> <p>Observador</p> <p>Fecha de registro</p> <p>Número de individuos</p> <p>Associated references</p> <p>Occurrence status</p> <p>Verbatim event date</p>	<p>Taxonomía</p> <p>Nombre científico</p> <p>Rango taxonómico</p> <p>Nombre común</p> <p>Reino</p> <p>Filo</p> <p>Clase</p> <p>Orden</p> <p>Familia</p> <p>Género</p> <p>Incidencias taxonómicas</p> <p>Coincidencia de nombre</p> <p>Name parse type</p>	<p>Geoespacial</p> <p>País</p> <p>Ciudad</p> <p>Comunidad</p> <p>Localidad</p> <p>Latitud</p> <p>Longitud</p> <p>Datum geodésico</p> <p>Sistema de coordenadas de origen</p> <p>Localidad original</p> <p>Precisión de coordenada</p> <p>Verbatim srs</p> <p>Verbatim longitude</p> <p>Verbatim latitude</p>	

Current status of Biocache-hub

Customizations:

* i18n branch:

- JS files: (Configuration)

> Added jQuery.i18n.properties function to can apply the i18n in the .js files:

+ BiocacheHubsResource.groovy: new jquery_18n and jquery_migration modules.

+ _global.gsp.

> Modified JS files related with:

+ Map view.

+ Charts view.

+ Explore-your-Area view.

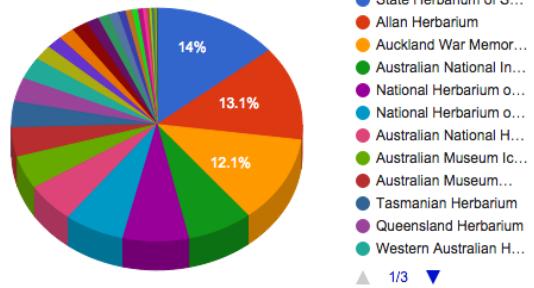
Current status of Biocache-hub

Customizations:

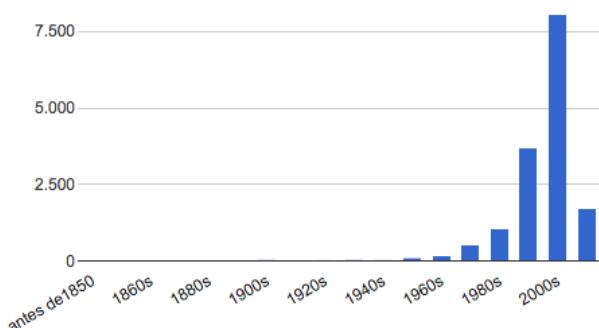
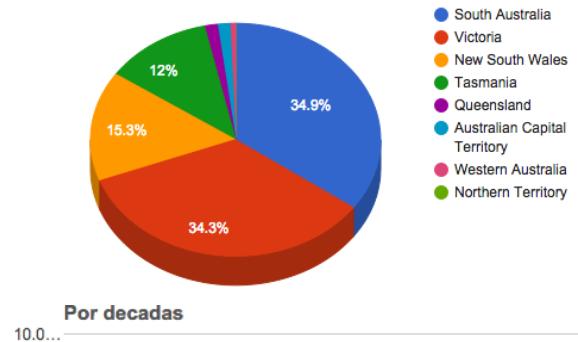
* i18n branch:

- JS files: Charts view: Titles and Labels (charts2.js and search.js)

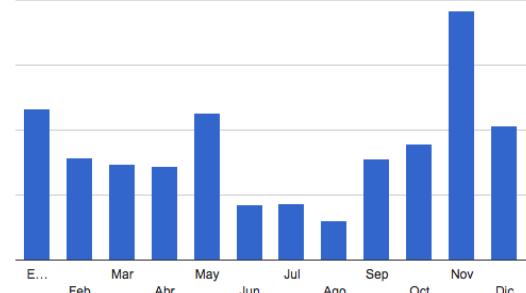
Por colección



Por provincia



Por mes

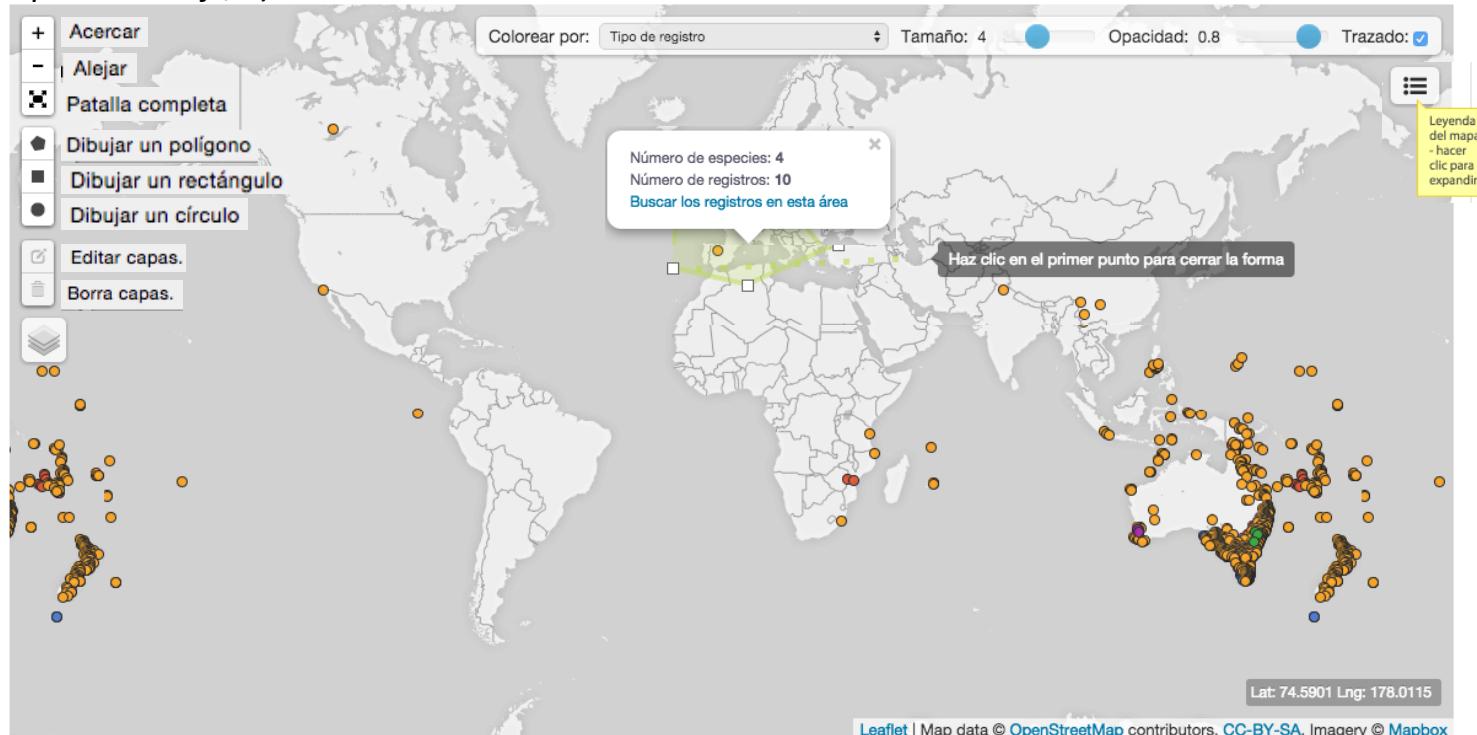


Current status of Biocache-hub

Customizations:

* i18n branch:

- **JS files:** Map view in #tab_spatialSearch and #tab_mapView. (Leaflet.js,Leaglet-draw-src.js, map.common.js,...)

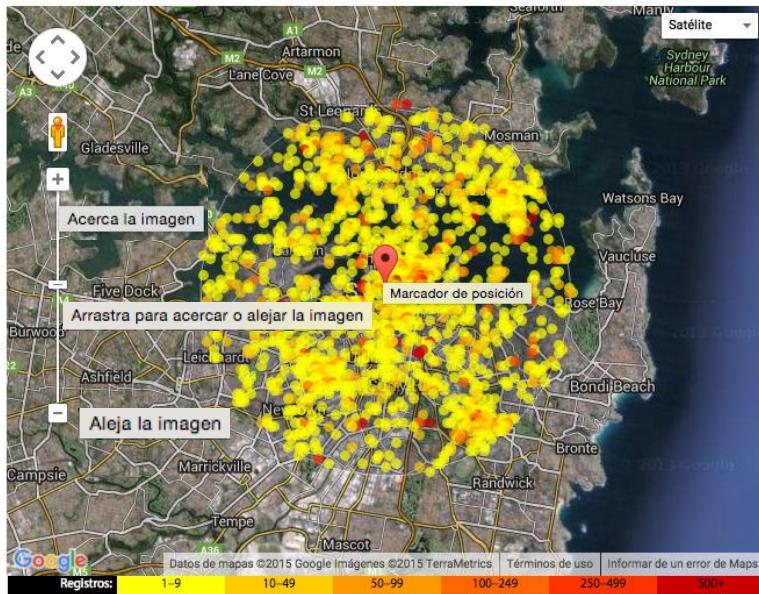


Current status of Biocache-hub

Customizations:

* i18n branch:

- JS files: Explore-your-area (*your-area-map.js*)



Grupo	Especies
Haz clic para ver el grupo en el mapa	
Todas las especies	6175
Animales	4211
Mamíferos	61
Pájaros	459
Reptiles	71
Anfibios	24
Peces	254
Moluscos	785
Artrópodos	2317
Crustáceos	112
Insectos	2067
Plantas	1734
Briófitas	39
Gimnospermas	14
Helechos y plantas afines	69
Angiospermas	1507
Monocotiledóneas	445
Dicotiledóneas	1062
Hongos	64
Cromistas	7
Protozoos	3
Bacterias	6
Algas	13

Issues of Biocache-hub

Issues:

- * Possible bug in Batch Taxon search and Catalogue number search.
- * “Find records for ANY of the following taxa” doesn’t work.
- * Charts: What happen when we arrive to the last rank?

Current status of Collectory-hub

Branches: master

Repository: <https://github.com/santiagomtzdelariva/biocache-hubs-es/network>

Web: <http://datos.gbif.es/collectory/> (Deprecated version of Collectory)

To do Customizations:

* **collectory_design branch**

- Added new fixed menu.
- Added new footer.

* **i18n branch:** (Static translation)

- JS files:

> Index

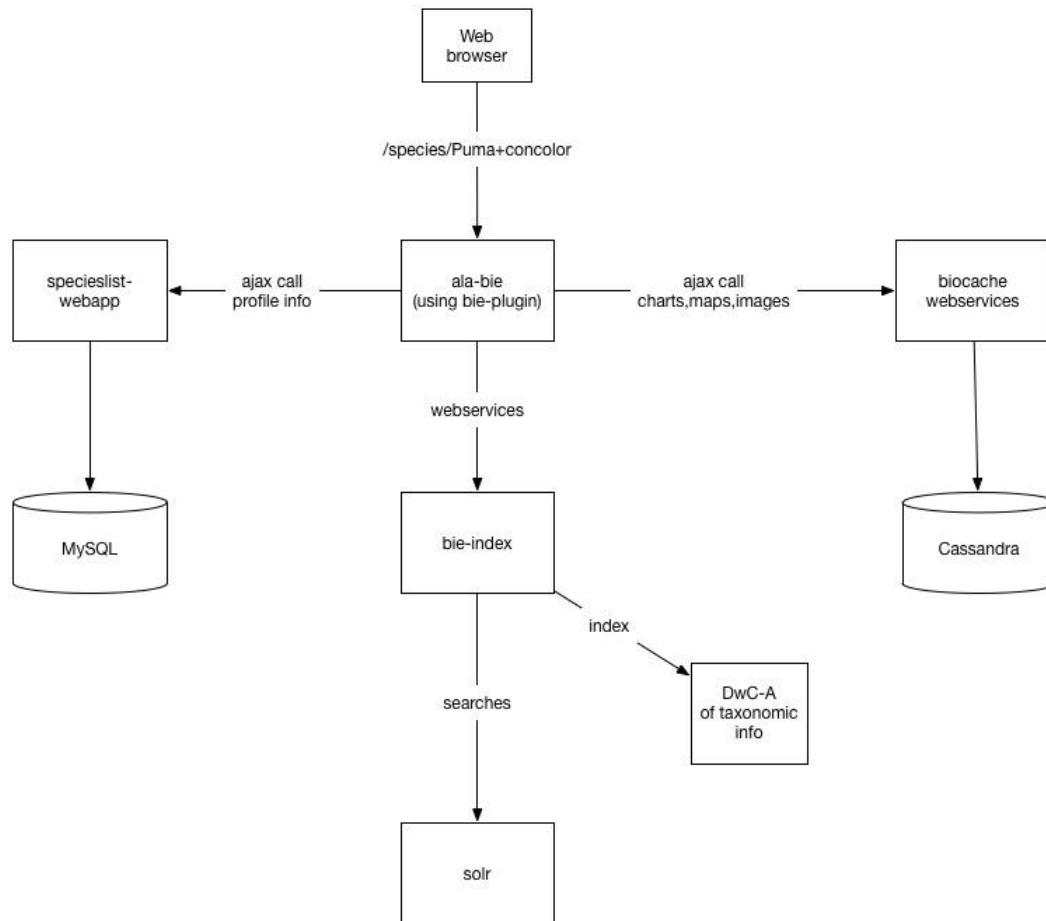
> Charts

Current status of Collectory

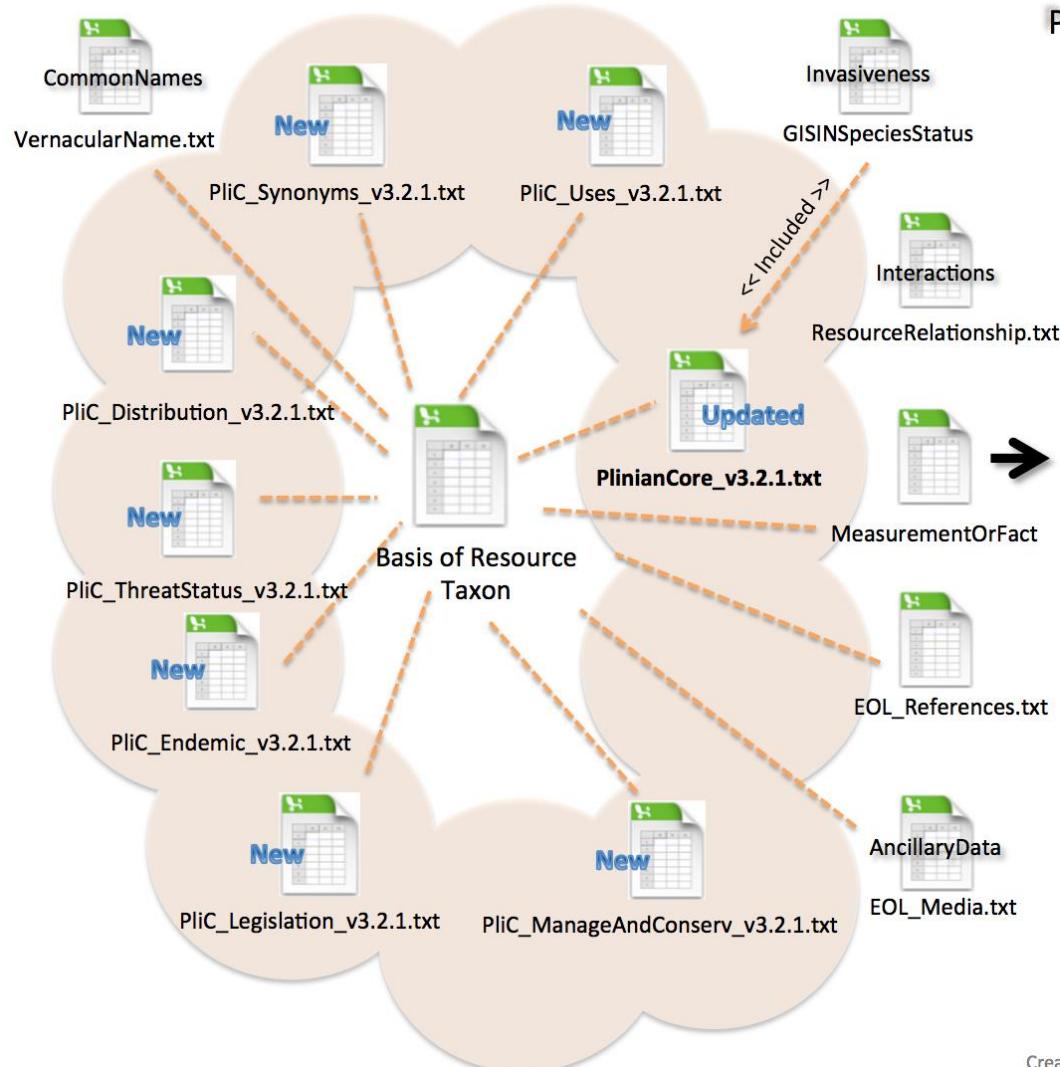
Issues:

- * Unable to load DarwinCore Archives from GBIF.
- * To solve the issue of map, update with the related commit.

Current status of BIE



BIE & Plinian Core Archive



Plinian Core Extensions

FullDescriptionAtomized
 LifeFormAtomized
 LifeCycleAtomized
 ReproductionAtomized
 BehaviorAtomized
 MolecularDataAtomized
 EcologicalSignificanceAtomized
 DetailAtomized
 EnvironmentalEnvelopeAtomized
 HabitatAtomized
 DirectThreatAtomized
 Dispersal-Purpose
 Dispersal-Distance
 Territory-ExtentOfOccurrence
 Territory-AreaOfOccupancy
 PB-AbundanceData
 PB-DensityData
 PB-PatternDistribution
 PB-Size
 PB-SexRatio
 PB-Fecundity
 PB-MortalityRate
 PB-BirthRate
 PB-NumberIndividualsPerObservation
 PB-AverageDensity
 PB-PopulationTrend
 PB-Recruitment
 PB-PopulationGrowRate
 PB-Emigration
 PB-Immigration
 PB-DescriptionLifeStages
 PB-ProportionIndividualsPerStageLife
 PB-CarryingCapacity

Note: These measurements are related with Traits

Species-list: Steps to install.

- 1) Run the species list playbook to install on vagrant VH or in the local machine

```
ansible-playbook -i inventories/vagrant/species-list-vagrant species-list-standalone.yml --private-key  
~/vagrant.d/insecure_private_key -u vagrant -s
```

```
ansible-playbook -I inventories/vagrant/species-list-vagrant species-list-standalone.yml -u root -s -  
connection=local
```

- 2) Edit out /etc/hosts file on laptop

```
10.1.1.2 vagrant1 ala.vagrant1.dev lists.vagrant1.ala.org.au vagrant1.ala.org.au demo.vagrant1.ala.org.au
```

- 3) http://lists.vagrant1.ala.org.au

- 4) SaMA logged in with his ALA account. How can we solve this point??

- 5) Download the DwC-A from <http://www.gbif.org/dataset/888b4cc1-7342-4d6c-ba5c-c1b29c8d27fd>

- 6) Unzip the archive

Species-list: Steps to install.

- 7) Upload the DarwinCoreA_Pli.txt from the DwC-A using the form
- 8) Fill in fileds (Title, Description, URL and type (List of species with characters))
- 9) We reprocessed the file to do the following:
 - a) remove taxon remarks
 - b) make a UTF-8 tab delimited file
- 12) Edited the config file

```
vi /data/specieslist-webapp/config/specieslist-webapp-config.properties
```

```
bie.nameIndexLocation= /data/lucene/col_namematching
```

- 13) ran out of time. Should have matched and provided and example like:

```
http://lists.ala.org.au/ws/species/urn:lsid:biodiversity.org.au:afd.taxon:5b72fb29-0318-43f8-bc0a-58b879b17601
```

Species-list: Steps to install.

Example of how to link:

Webpage for an occurrence page (has no species IDs)

<http://datos.gbif.es/generic-hub/occurrences/c4abc981-6cf7-413a-9085-c8195ccccf4f>

Has an example API call which has the taxa IDs:

<http://datos.gbif.es/biocache-service/occurrences/c4abc981-6cf7-413a-9085-c8195ccccf4f>

CoopBioPlat

Biodiversity platform of GBIF Spain
based on ALA



- Thanks -



Santiago Martínez de la Riva Vivanco
Unidad de Coordinación GBIF España
sama@gbif.es
www.gbif.es
Real Jardín Botánico 20/10/15